

22<sup>o</sup> Encontro de  
Iniciação Científica  
da UENF14<sup>o</sup> Circuito de  
Iniciação Científica  
do IFFluminense10<sup>a</sup> Jornada de  
Iniciação Científica  
da UFF

IX

Congresso  
Fluminense de  
Iniciação Científica e  
Tecnológica

II

Congresso  
Fluminense de  
Pós-Graduação17<sup>a</sup> Mostra de  
Pós-Graduação  
da UENF2<sup>a</sup> Mostra de  
Pós-Graduação  
do IFFluminense2<sup>a</sup> Mostra de  
Pós-Graduação  
da UFF

Ciência, tecnologia e inovação no Brasil: desafios e transformações

## MELHORAMENTO DO MARACUJAZEIRO: SELEÇÃO DE GENÓTIPOS RESISTENTES AO *Cowpea aphid-borne mosaic virus* EM POPULAÇÕES SEGREGANTES

Sandra da Costa Preisigke; Eileen Azevedo Santos; Paulo Ricardo dos Santos;  
Natan Ramos Cavalcante; Alexandre Pio Viana

O maracujazeiro azedo é uma fruteira amplamente produzida e consumida no Brasil. No entanto, seu cultivo é afetado pela virose do endurecimento dos frutos causada pelo *Cowpea aphid-borne mosaic virus* (CABMV). Sabe-se que não existe controle para essa doença. Sendo assim, este trabalho teve por objetivo estimar parâmetros genéticos para característica de resistência e selecionar genótipos resistentes à virose do endurecimento dos frutos em populações segregantes de maracujazeiro. Foram avaliadas 379 plantas, incluindo as espécies *Passiflora setacea*, *P. edulis*, híbridos interespecíficos e genótipos da primeira geração de retrocruzamentos (RC<sub>1</sub>) entre híbridos interespecíficos (*P. edulis* suscetível x *P. setacea* resistentes) x *P. edulis*. As avaliações dos sintomas induzido pelo CABMV foram realizadas por meio de escala de notas em folhas jovens e na área total da planta e com as notas foram estimadas a área abaixo da curva de progresso da doença (AACPD). Com a médias das duas AACPD foram estimados os componentes de variâncias (REML) e os efeito genéticos aditivos preditos pelo BLUP. Não houve plantas assintomáticas. Foram obtidos as estimativas de variância genética (13437,5) e fenotípica (36214,3) para a característica de resistência. Estas estimativas sugere que a população avaliada apresenta alta variabilidade genética e pequeno efeito ambiental na expressão do caráter resistência ao CABMV, fato que ajuda no aumento das estimativas de herdabilidade. As estimativas de herdabilidade, tanto no sentido restrito quanto com base na média das famílias, foram altas (0,74 e 0,96, respectivamente). Isso demonstra uma situação favorável à seleção de família ou de indivíduos dentro de família, haja vista que grande parte da variação fenotípica observada nos genótipos são advindas dos efeitos genéticos. A seleção deve ser feita com base nos valores genéticos aditivos dos indivíduos que serão utilizados em gerações futuras. Dessa forma, foram selecionados 40 genótipos resistentes ao CABMV. Os ganhos preditos variaram entre 4,3% a 8,3%. O genótipo com menor ganho foi o RC<sub>1</sub>71. Entre os 40 genótipos sugere-se utilizar como genitores na próxima geração os que obtiveram menor valor médio de AACPD (401) sendo eles RC<sub>1</sub> 153, 501, 505 e 506.

Palavras-chave: *Passiflora*; Retrocruzamento, Maracujá-azedo.

Instituição de fomento: UENF, FAPERJ, CAPES e CNPq.