

22^o Encontro de Iniciação Científica da UENF14^o Circuito de Iniciação Científica do IFFluminense10^a Jornada de Iniciação Científica da UFF

IX Congresso Fluminense de Iniciação Científica e Tecnológica

II Congresso Fluminense de Pós-Graduação

17^a Mostra de Pós-Graduação da UENF2^a Mostra de Pós-Graduação do IFFluminense2^a Mostra de Pós-Graduação da UFF

Ciência, tecnologia e inovação no Brasil: desafios e transformações

PopColhe, uma alternativa para confeccionar etiquetas na experimentação agrônômica.

Railan do Nascimento Ferreira Kurosawa, Sebastião Rodrigues, Adriano dos Santos, Antonio Teixeira do Amaral Junior, Marcelo Vivas.

A partir de 1998, o programa de melhoramento genético do milho-pipoca através da Universidade Estadual do Norte Fluminense Darcy Ribeiro tem obtido resultados significativos como provedor de novas tecnologias ao produtor rural. O lançamento da nova cultivar de polinização aberta UENF-14 e de oito híbridos com registro no Ministério da Agricultura, Pecuária e Abastecimento são exemplos de conquistas deste programa. É necessário considerar, no entanto, que o desenvolvimento de uma nova cultivar demanda considerável tempo de execução dos trabalhos e empenho da parte dos pesquisadores. Neste contexto, o melhorista de plantas sempre se deparará com a necessidade de identificação, a campo, dos materiais estudados. Comumente, a identificação das parcelas experimentais na cultura do milho-pipoca no tocante a avaliações pós-colheita é realizada mediante elaboração a punho de etiquetas contendo o número da parcela e as siglas das variáveis a serem estudadas. Esta elaboração, por si só, constitui uma atividade morosa e cansativa, vez que, a maioria dos experimentos envolvendo a cultura do milho contém centenas de unidades experimentais, exigindo do melhorista, emprego de tempo e esforços adicionais. Assim, o objetivo deste trabalho é apresentar uma ferramenta computacional denominada 'PopColhe' para auxiliar o melhorista de plantas na elaboração de etiquetas de identificação de unidades experimentais e agilizar o processo de tabulação de resultados. Para o desenvolvimento do programa computacional foi utilizada a linguagem de programação JAVA, uma plataforma destinada ao desenvolvimento de softwares. O ambiente integrado de desenvolvimento utilizado para compilar e executar os testes foi o IDE NetBeans 8.0.2. Como resultado obteve-se um programa leve e de fácil execução, o qual foi inicialmente elaborado e testado para atender as demandas nos experimentos envolvendo o melhoramento genético do milho-pipoca, porém, poderá ser utilizado no melhoramento genético de outras espécies. Finalmente, o usuário obterá em minutos, grandes quantidades de etiquetas e poderá inserir, além das informações próprias de sua pesquisa, um código de barras para cada etiqueta, a fim de auxiliar na identificação das parcelas experimentais.

Palavras-chave: Melhoramento de Plantas, Programação, Milho-pipoca.

Instituição de fomento: CAPES