



## Potencial de raças de milho-pipoca para obtenção de linhagens endogâmicas resistentes ao *Bipolaris maydis*

Julio Cesar Gradice Saluci, Marcelo Vivas, Rafael Nunes de Almeida, Íris Petronilia Dutra, Mayara Cazadini Carlos, Ariane Cardoso Costa, João Paulo de Oliveira Bessi, João Batista Esteves Peluzio

As doenças foliares são um importante agravante para a redução da produtividade do milho-pipoca. O uso de genótipos resistentes consiste em uma das formas de redução das doenças, sendo a avaliação de acessos uma das etapas para obtenção de cultivares com altos níveis de resistência. Dado o exposto, objetivou-se avaliar linhagens em S<sub>4</sub> de milho-pipoca de diferentes raças, quanto à resistência ao *B. maydis*. O experimento foi realizado em casa-de-vegetação no delineamento de blocos aumentados, com quatro blocos, sendo avaliadas 78 linhagens obtidas de: ARZM\_05\_083, ARZM\_07\_049, ARZM\_13\_050, BOYA\_462, BOZM\_260, CHZM\_13\_134, PA\_091, PA\_170\_R, PARA\_172, PR\_023, SAM, SE\_013, e URUG\_298. As linhagens: L-55, L-70, L-77, L-88, P-01, P-08 consideradas testemunhas, foram repetidas em todos os blocos. As plantas foram cultivadas em vasos plásticos com capacidade de 5 l. A inoculação do patógeno foi realizada quando as plantas apresentavam 4 folhas, sendo aplicada solução contendo isolados do fungo *B. maydis*. A concentração de conídios foi de  $2 \times 10^4$ . Sete dias após a inoculação, avaliou-se a incidência do *B. maydis* na planta, e a severidade na folha, aos sete e quatorze dias. Os dados obtidos das linhagens foram submetidos à análise de variância e as médias discriminadas pelo teste t, sendo consideradas resistentes as que apresentaram médias significativamente iguais a zero, e suscetível, as diferentes de zero. As médias das linhagens foram agrupadas de acordo com cada raça de origem e analisadas por meio de gráficos Bloxplot. Não foi encontrada diferença significativa entre as linhagens para a incidência da doença. Para a severidade, houve efeito significativo nas duas avaliações, demonstrando variabilidade entre as diferentes linhagens. Na avaliação aos sete dias, observou-se que 83,3% linhagens apresentaram médias estatisticamente iguais à zero, já aos quatorze dias, esta porcentagem reduziu para 37,2%. Considerando a segunda avaliação de severidade, foi possível identificar linhagens resistentes ao *B. maydis* obtidas das raças SE\_013, SAM, PR\_023, PARA\_172, PA\_170\_R, PA\_091, CHZM\_13\_134, BOZM\_260, ARZM\_07\_049. Com as análises dos resultados, evidenciou-se a possibilidade de obtenção de linhagens endogâmicas resistentes ao patógeno.

Palavras-chave: Melhoramento vegetal, Patossistema, Resistência genética.

Instituição de fomento: CNPq, FAPERJ, UENF.