



Melhoramento de variedades híbridas de mamoeiro (*Carica papaya* L.): seleção e purificação de linhagens genitoras

Adriana Azevedo Vimercati Pirovani, Helaine Christine Cancela Ramos, Renato Santa-Catarina, Daniel Pereira Miranda, Julio Cesar Fiorio Vettorazzi, Izaías Rodrigues da Silva Júnior, Alex Souza Rodrigues, Messias Gonzaga Pereira

Para o desenvolvimento de variedades híbridas é fundamental que as linhagens genitoras apresentem alta fixação alélica, a fim de garantir a uniformidade dos híbridos desenvolvidos. Nesse sentido, tem sido observado em mamoeiro segregação nas linhagens genitoras, impactando o padrão dos híbridos obtidos e conseqüentemente a comercialização destes. Assim, o objetivo desse trabalho foi avaliar os genótipos JS-12, Sekati e SS-72/12, que são genitores de importantes híbridos de mamoeiro, a fim de identificar possíveis segregações e proceder o avanço de geração via autofecundação de genótipos selecionados para caracteres agrônômicos de interesse. O experimento foi conduzido na empresa Caliman Agrícola S/A, Linhares-ES. Foi realizada a seleção massal, selecionando-se 400 plantas com base no fenótipo, sendo: 100 plantas do genitor Sekati, 100 plantas do genitor SS-72/12 e 200 plantas do genitor JS-12, dos quais 100 plantas com frutos menores (JS12-P) e 100 plantas com frutos maiores (JS12-G). Devido à perda de plantas em função da ocorrência de doenças, foi possível avaliar 264 plantas para 15 características agrônômicas (altura da planta, altura da inserção do primeiro fruto, diâmetro do caule, número de frutos comerciais, número de frutos deformados, nós sem fruto, peso médio dos frutos, produtividade, firmeza do fruto, firmeza da polpa, teor de sólidos solúveis, comprimento do fruto, diâmetro do fruto, espessura da polpa e a porcentagem de volume de polpa em três períodos de avaliação. Utilizou-se o índice de seleção combinada e a seleção direta, permitindo a seleção de 80 genótipos (20 do Sekati, 20 do JS-12-P, 20 do JS-12-G e 20 do SS-72/12), dos quais 72 foram selecionadas via seleção combinada e oito pela seleção direta. Associada a seleção combinada, a seleção direta pode ser utilizada para seleção de genótipos potencialmente fontes de alelos favoráveis para características específicas. Nesse sentido, a seleção direta empregada nesse estudo nos permitiu, com base na característica PMF, manter nas linhagens oito genótipos (dois genótipos por genitor). Diante da existência de segregação nos genitores, ressalta-se a extrema importância da seleção de linhagens com diferentes padrões para serem exploradas no programa de melhoramento do mamoeiro, de forma a purificar os genitores e ajustar os híbridos para atender a demanda do mercado consumidor.

Instituição do Programa de IC, IT ou PG: Universidade Estadual do Norte Fluminense Darcy Ribeiro (UENF)

Fomento da bolsa: O presente trabalho foi realizado com apoio da Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior - Brasil (CAPES) - Código de Financiamento 001. Agradecemos também à Fundação Carlos Chagas Filho de Amparo à Pesquisa do Estado do Rio de Janeiro (FAPERJ), ao Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico (CNPq) pela concessão de bolsas de estudo e financiamento de projetos e à Caliman Agrícola S/A, pelo apoio logístico.